



第六届全国植物蛋白质研究大会

The 6th National Plant Protein Research Conference

从组学到蛋白质功能

2016.12.18 - 20

中国·海口

第二轮通知

主办单位：
中国植物学会

承办单位：
海南大学
中国热带农业科学院
海南师范大学

协助单位：
北京中北博创生物技术有限公司
海口华彩华邑酒店
海口阳光世纪酒店



随着人类基因组计划的完成，生物学研究从基因组研究时代进入蛋白质研究时代，功能蛋白的深入研究，是后基因组时代的重要研究方向。由中国植物学会主办，海南大学、中国热带农业科学院、海南师范大学共同承办的第六届全国植物蛋白质研究大会暨第二届植物蛋白质组最新研究技术培训班，定于 2016 年 12 月 18 日 - 20 日在海南省海口市召开。详见大会官网：<http://www.plantprotein.org.cn/>

会议简介：

第六届全国植物蛋白质研究大会，会议时间：2016.12.18-12.20。大会设有特邀报告、专题报告、墙报三种形式，大会将邀请植物蛋白质功能研究及相关领域的国内外院士与专家学者做大会报告。

第二届蛋白质组最新研究技术培训班，时间：2016.12.21-12.27。已经邀请到 21 名国内外一线技术专家进行蛋白组学最新研究技术免费培训。

特邀报告人：

匡廷云	中国科学院院士	中国科学院植物所
李家洋	中国科学院院士	中国科学院遗传发育所
朱玉贤	中国科学院院士	武汉大学
邓兴旺	美国科学院院士	北京大学
朱健康	美国科学院院士	美国普渡大学
曹晓风	中国科学院院士	中国科学院遗传发育所
官春云	中国工程院院士	湖南农业大学
种康	研究员	中国科学院植物所
杨维才	研究员	中国科学院遗传发育所
秦钧	研究员	中国国家蛋白质科学中心
王志勇	教授	美国斯坦福大学卡耐基研究所
Steven P. Briggs	美国科学院院士	美国加州大学圣地亚哥分校
Basil Nikolau	教授	美国爱荷华州立大学
Eve S. Wurtele	教授	美国爱荷华州立大学
Setsuko Komatsu	教授	日本作物研究所

大会主题： 从组学到蛋白质生物学功能

分会议题：

- 专题 I： 植物发育及基因转录调控
- 专题 II： 蛋白质组学与生物信息学
- 专题 III： 植物代谢及激素调控机制
- 专题 IV： 生物医学与微生物
- 专题 V： 植物逆境适应及应答机理
- 专题 VI： 蛋白质翻译后修饰研究

会议组织:

主办单位: 中国植物学会

协办单位: 中国细胞学会染色质与蛋白质组专业委员会

承办单位: 海南大学

中国热带农业科学院

海南师范大学

协助单位: 北京中北博创生物技术有限公司

海口华彩华邑酒店

海口阳光世纪酒店

大会主席:



大会名誉主席:
匡廷云
中国科学院院士
中国科学院植物研究所



大会主席 (国内):
朱玉贤
中国科学院院士
武汉大学



大会主席 (国际):
Steven P. Briggs
美国科学院院士
加州大学圣地亚哥分校

大会组委会:

组委会秘书长: 王旭初 研究员

组委会副秘书长: 黄东益 教授, 李开绵 研究员, 王锐萍 教授

组委会成员 (按照姓氏拼音排序): 陈 伟, 陈思学, 陈松笔, 陈艳梅, 戴绍军, 景海春, 李 栋, 李 灵, 李海英, 李鸿彬, 栗茂腾, 梁文裕, 柳亦松, 庞朝友, 任 间, 阮松林, 苏彦辉, 沈世华, 王 台, 王柏臣, 王旭初, 薛 宇, 杨平仿, 张后今

秘书处:

大会秘书长: 王旭初, xchwanghai@163.com

报名注册联系人: 常丽丽, plantprotein_cll@163.com;

蒙雪茹, plantprotein_mxr@163.com

大会摘要墙报联系人: 王丹, plantprotein_wd@163.com

蛋白组最新技术培训班联系人: 孙勇, plantprotein_sy@163.com

赞助商联系人: 靳翔, plantprotein_jx@163.com

第六届全国植物蛋白质研究大会

2016. 12. 18 – 2016. 12. 20

中国 · 海口

网站主页: <http://www.plantprotein.org.cn>

2016年12月17日 星期六

10:00 - 21:30 会议报到

地点: 海南大学思源学堂大厅

2016年12月18日 星期日

09:00 - 09:30 开幕式

地点: 思源学堂1号报告厅

09:00 - 09:10

09:10 - 09:25

09:25 - 09:30

主持人: 王旭初 (中国热带农业科学院)

大会主席朱玉贤院士致开幕辞

承办单位领导致辞

合影

09:30 - 11:50 大会特邀报告

地点: 思源学堂1号报告厅

09:30 - 10:00

匡廷云 (中科院植物所, 中国科学院院士)

主持人: 种康 (中科院植物所)

Structure and function of photosystem I (PSI) and the light-harvesting complex I (LHCI) supercomplex

10:00 - 10:30

朱玉贤 (武汉大学, 中国科学院院士)

Proteomic studies reveal an important molecular mechanism that controls cotton fiber cell elongation (暂定)

10:30 - 10:50

茶歇

地点: 思源学堂1号报告厅

10:50 - 11:20

李家洋 (中科院遗传所, 中国科学院院士)

主持人: 曹晓风 (中科院遗传所)

Regulation of OsSPL14 by OsmiR156 defines ideal plant architecture in rice (暂定)

11:20 - 11:50

邓兴旺 (北京大学, 美国科学院院士)

Arabidopsis DET1 represses photomorphogenesis in part by negatively regulating DELLA protein abundance in darkness (暂定)

11:50 - 13:30 午餐

地点: 海南大学宴会厅

13:30 - 17:50 专题报告

专题I: 植物发育及基因转录调控

地点: 思源学堂1号报告厅

13:30 - 13:50

何奕騫 (首都师范大学)

主持人: 瞿礼嘉 (北京大学)

Regulation mechanism of NO to Arabidopsis development

13:50 - 14:10

崔素霞 (首都师范大学)

Protein dynamic change regulation and position effect under natural stress

14:10 - 14:30

白书农 (北京大学)

Roles of three proteins in female flower development of cucumber: CsCAN, CsETR1, and CsAP3

14:30 - 14:50

李毅 (北京大学)

Viral protein blocks auxin signaling through interaction with IAA10 and enhances virus infection in rice (暂定)

14:50 - 15:10

焦雨铃 (中科院遗传所)

A gene expression map of shoot cell types reveals new regulatory mechanisms

15:10 - 15:30

李灵 (美国密西西比州立大学)

The Arabidopsis QQS orphan gene modulates carbon and nitrogen allocation across species

15:30 - 15:50

茶歇

地点: 思源学堂1号报告厅

主持人: 李毅 (北京大学)

15:50 - 16:10

瞿礼嘉 (北京大学)

D-myo-inositol-3-phosphate affects phosphatidylinositol-mediated endomembrane function in Arabidopsis and is essential for auxin-regulated embryogenesis (暂定)

16:10 - 16:30

陈艳梅 (中国农业大学)

Stress induced protein phosphorylation changes

16:30 - 16:50

黄腾波 (深圳大学)

Gene networks regulating the spatial and temporal growth of the Arabidopsis petal

16:50 - 17:10

何朝族 (海南大学)

DELLA proteins contribute to the Xanthomonas campestris type III effector protein XopDXcc8004-triggered disease tolerance and regulate pathogen-associated molecular pattern-triggered immunity

17:10 - 17:30

王振宇 (海南大学)

Plant alternative splicing and salt stress

17:30 - 17:50

黄惜 (海南大学)

Function of Hevea brasiliensis NAC1 in dehydration-induced laticifer differentiation and latex biosynthesis

13:30 - 16:50 专题报告

专题II: 蛋白质组学与生物信息学

地点: 思源学堂2号报告厅

主持人: 陈玲玲 (华中农业大学)

13:30 - 13:50

李栋 (国家蛋白质科学中心)

ProDiGy: a proteome knowledge discovery gateway

13:50 - 14:10

薛宇 (华中科技大学)

Systematic analysis of the Plk-mediated phosphoregulation in eukaryotes (暂定)

14:10 - 14:30

任间（中山大学）

Pan-cancer analysis reveals the functional importance of the m6A machinery in cancer（暂定）

14:30 - 14:50

张子丁（中国农业大学）

Bioinformatics analysis of plant protein-protein interactions

14:50 - 15:10

宁康（华中科技大学）

Microbial proteomics data mining: a preliminary study on the proteome and community macro proteins in single cell level

15:10 - 15:30

柳亦松（湖南农业大学）

Mechanism of alkaloids in plant and mammalian: green-red biology

15:30 - 15:50

茶歇

地点：思源学堂2号报告厅

主持人：何朝族（海南大学）

15:50 - 16:10

陈玲玲（华中农业大学）

Extensive sequence divergence between the reference genomes of two indica rice varieties

16:10 - 16:30

栗茂腾（华中科技大学）

Genetic dissecting of seed oil and protein content and identification of network associated with oil content in Brassica napus

16:30 - 16:50

王强（中科院水生所）

Post-translational modification in Cyanobacteria Synechocystis PCC6803

16:50 - 17:10

程仲毅（上海同济大学）

An integrated quantitative proteomics approach for systems-biology of protein post-translational modification（PTM）in plant

17:10 - 17:30

曹成喜（上海交通大学）

Free-flow isoelectric focusing with post-pH gradient sample injection for proteomics of mitochondria

17:30 - 17:50

秦国政（中科院植物所）

Unraveling the regulatory network of the global fruit ripening regulator MADS-RIN in tomato

2016年12月19日 星期一

09:00 - 11:50 大会特邀报告

地点：思源学堂1号报告厅

主持人：李灵（美国密西西比州立大学）

09:00 - 09:30

Steven P. Briggs（美国加州大学，美国科学院院士）

Integration of omic networks in a developmental atlas of maize（暂定）

09:30 - 10:00

Basil Nikolau（美国爱荷华州立大学）

Challenges and opportunities for metabolomics in natural product biochemistry

10:00 - 10:30

Eve Syrkin Wurtele (美国爱荷华州立大学)

New genes, ancient networks: A bioinformatics perspective.

10:30 - 10:50

茶歇

地点: 思源学堂1号报告厅

主持人: 徐平 (国家蛋白质科学中心)

10:50 - 11:20

朱健康 (美国普渡大学, 美国科学院院士)

Phosphoproteomic analysis of plant osmotic stress responses

11:20 - 11:50

秦钧 (国家蛋白质科学中心)

Progress of the second generation proteomics

11:50 - 13:30 午餐

地点: 海南大学宴会厅

13:30 - 17:50 专题报告

专题III: 植物代谢及激素调控机制 (1)

地点: 思源学堂1号报告厅

主持人: 杨平仿 (中科院武汉植物园)

13:30 - 13:50

黄三文 (中国农科院蔬菜所)

Genome sequence and analysis of cucumber (暂定)

13:50 - 14:10

刘春明 (中国农科院作物所)

NF-YB1-regulated expression of sucrose transporters in aleurone facilitates sugar loading to rice endosperm (暂定)

14:10 - 14:30

王台 (中科院植物所)

Proteomic understanding of mechanisms underlying pollen tube function and integrity

14:30 - 14:50

张后今 (华中科技大学)

An unusual carbon-carbon bond cleavage reaction during phosphinothricin biosynthesis (暂定)

14:50 - 15:10

秦晓春 (中科院植物所)

Structural basis for energy transfer pathways in the plant PSI-LHCI supercomplex

15:10 - 15:30

乐捷 (中科院植物所)

Transcriptional regulation of PIN genes by FOUR LIPS and MYB88 during Arabidopsis root gravitropism (暂定)

15:30 - 15:50

茶歇

地点: 思源学堂1号报告厅

主持人: 秦晓春 (中科院植物所)

15:50 - 16:10

王柏臣 (中科院植物所)

Quantitative proteomics analysis of etiolated maize seedling leaves during greening

16:10 - 16:30

田维敏 (中国热科院橡胶所)

Role of a glucanase in the plug formation and accumulation in severed laticifer of rubber tree

16:30 - 16:50

王旭初（中国热科院生物所）

Progress in quantitative proteomics and application in rubber latex

16:50 - 17:10

李鸿彬（石河子大学）

Apoplast oxidation catalyzed by cotton ascorbate oxidase promotes cell growth in cultured tobacco BY2 cells

17:10 - 17:30

杨平仿（中科院武汉植物园）

The molecular mechanism of the formation of lotus flower

17:30 - 17:50

宋松泉（中科院植物所）

Proteomic analysis of embryonic axis of *Pisum sativum* seeds during germination and identification of proteins associated with loss of desiccation tolerance（暂定）

13:30 - 17:50 专题报告

专题IV：生物医学与微生物

地点：思源学堂2号报告厅

主持人：王旭初（中国热科院生物所）

13:30 - 13:50

徐平（国家蛋白质科学中心）

Quantitative proteomics reveals the function of unconventional ubiquitin chains in proteasomal degradation

13:50 - 14:10

李晴（北京大学）

A novel role of RPA during replication-coupled nucleosome assembly

14:10 - 14:30

蔡宏（北京大学）

TLR2 and TLR4 signaling pathways are required for recombinant *Brucella*

14:30 - 14:50

葛峰（中科院水生所）

Proteogenomic analysis and global discovery of post-translational modifications in *Cyanobacteria*

14:50 - 15:10

汪迎春（中科院遗传所）

A quantitative proteome Atlas for a model *Cyanobacterium*

15:10 - 15:30

田瑞军（南方科技大学）

Exploring intercellular signaling by proteomic approaches

15:30 - 15:50

茶歇

专题III：植物代谢及激素调控机制（2）

地点：思源学堂2号报告厅

主持人：李晴（北京大学）

15:50 - 16:10

黄焱（厦门大学）

When plants see the invisible: UV-B light signal transduction

16:10 - 16:30

产祝龙（华中农业大学）

Functional characterization of interacting proteins with ABA signaling components

16:30 - 16:50

呼建文（中科院上海蛋白质组研究中心）

Quantitative proteomics as a powerful approach used for both discovery and targeted proteins

16:50 - 17:10

陈伟（福建农林大学）

Photosynthesis, phenylpropanoid and amino acid metabolisms contribute to salt tolerance of mangrove *Kandelia candel*

17:10 - 17:30

何水林（福建农林大学）

The interaction between CaWRKY6, CaWRKY17 and WRKY40 and its role in pepper's immunity and thermotolerance

17:30 - 17:50

阮松林（杭州市农科院）

OsCYP2 interacting with OsCIP1 regulates the response to salt stress and lateral root development in rice

2016年12月20日 星期二

09:00 - 11:50 大会特邀报告

地点：思源学堂1号报告厅

主持人：杨维才（中科院遗传所）

09:00 - 09:30

曹晓风（中科院遗传所，中国科学院院士）

Decoding arginine methylome and regulatory mechanism in Arabidopsis by integrated proteomics

09:30 - 10:00

官春云（湖南农业大学，中国工程院院士）

The organ formation and differentiation of rape（暂定）

10:00 - 10:30

种康（中科院植物所）

Protein glycosylation mediated vernalization of wheat

10:30 - 10:50

茶歇

地点：思源学堂1号报告厅

主持人：戴绍军（上海师范大学）

10:50 - 11:20

杨维才（中科院遗传所）

A receptor heteromer mediates the male perception of female attractants in plants（暂定）

11:20 - 11:50

Setsuko Komatsu（日本作物研究所）

Omics technique to enhance flooding tolerance of soybean

11:50 - 13:30 午餐

地点：海南大学宴会厅

13:30 - 17:50 专题报告

专题V：植物逆境适应及应答机理

地点：思源学堂1号报告厅

主持人：景海春（中科院植物所）

13:30 - 13:50

沈世华（中科院植物所）

Constructing the regulatory pathways in germinating rice seeds through proteomic approach（暂定）

13:50 - 14:10

戴绍军（上海师范大学）

Na₂CO₃-responsive mechanisms in halophyte *Puccinellia tenuiflora* roots revealed by physiological and proteomic analyses（暂定）

14:10 - 14:30

彭明（中国热科院生物所）

Cassava genome from a wild ancestor to cultivated varieties reveals extensive interspecific hybridization and genetic diversity（暂定）

14:30 - 14:50

陈松笔（中国热科院品资所）

Cassava molecular breeding in case of Asia（暂定）

14:50 - 15:10

伍晓明（中国农科院油料所）

Comparative proteomics reveals phosphorylation of β carbonic anhydrase 1 is important for adaptation to drought stress in *Brassica napus*

15:10 - 15:30

于涵洋（南京大学）

In vitro selection of functional xeno-nucleic acids

15:30 - 15:50

茶歇

专题VI：蛋白质翻译后修饰研究

地点：思源学堂1号报告厅

主持人：陈松笔（中国热科院品资所）

15:50 - 16:10

景海春（中科院植物所）

TANG1, Encoding a Symplekin_C Domain-Contained Protein, Influences Sugar Responses in *Arabidopsis*（暂定）

16:10 - 16:30

秦咏梅（北京大学）

Large-scale analysis of phosphorylated proteins in maize leaf（暂定）

16:30 - 16:50

孙卫宁（中科院上海植生所）

Comparative proteomic analysis of the *Arabidopsis* cbl1 mutant in response to salt stress（暂定）

16:50 - 17:10

李海英（黑龙江大学）

The function of phosphorylation sites of a Ser/Thr protein kinase from sugar beet M14 in response to salt stress

17:10 - 17:30

王红霞（军科院分析测试中心）

A proteomic study as part of a programme aimed at discovering novel functions of the plant cell wall（暂定）

第二届蛋白质组最新研究技术免费培训班

2016. 12. 21 - 2016. 12. 27

海南大学

网站主页: <http://www.plantprotein.org.cn>

2016年12月21日 星期三

地点: 海南大学农学院207报告厅

09:00 - 11:30

郑海燕 (美国新泽西大学质谱平台主任)

主持人: 王旭初 (中国热科院生物所)

New technological developments in mass spectrometry and their related applications in characterization of protein synthesis and modification as well as quantitation

14:00 - 16:00

李栋 (中国国家蛋白质科学中心)

蛋白质组学数据知识挖掘及具体应用技巧

16:00 - 18:00

李燕 (北京蛋白质组中心)

在线蛋白质组学平台的应用

2016年12月22日 星期四

地点: 海南大学农学院207报告厅

09:00 - 11:30

卢庄 (中科院植物所质谱平台负责人)

主持人: 靳翔 (中国热科院生物所)

蛋白质翻译后修饰组学: 蛋白糖基化研究技术及应用技巧

14:00 - 16:00

陆天聪 (中科院遗传所)

精氨酸甲基化蛋白质组学研究的策略及应用技巧分

16:00 - 18:00

余剑岚 (上海亚太质谱研发中心)

SWATH技术在定量蛋白质组研究中的应用技巧

2016年12月23日 星期五

地点: 海南大学农学院207报告厅

09:00 - 11:30

肖华 (上海交通大学电泳平台负责人)

主持人: 陆天聪 (中科院遗传所)

自由流电泳技术的发展及在亚细胞蛋白质组研究中的应用

14:00 - 16:00

王青松 (北京大学质谱仪器负责人)

高端生物质谱在蛋白质组研究中的应用技术细节及问题

16:00 - 18:00

徐晓峰 (华南蛋白质组中心)

Proteogenomics的发展历程及应用分析 (暂定)

2016年12月24日 星期六

地点: 海南大学农学院207报告厅

09:00 - 11:30

舒烈波 (上海农业生物基因研究中心)

主持人: 王青松 (北京大学)

多重组学技术的应用技巧及实例分析

14:00 - 16:00

王贵宾 (国家蛋白质科学中心)

定量蛋白质组学iTRAQ技术的发展及技术操作要点

16:00 - 18:00

何铭辉 (中山大学蛋白质科学中心)

Non-coding RNA与蛋白组联合分析 (暂定)

2016年12月25日 星期日

地点：海南大学农学院207报告厅

主持人：舒烈波（上海农业生物基因研究中心）

09:00 - 11:30

宁婵娟（中科院上海蛋白质组研究中心）

蛋白质组、翻译后修饰组及代谢组在植物领域内的应用

14:00 - 16:00

程仲毅（杭州蛋白质组中心平台负责人）

蛋白质修饰组学和抗体组学应用技巧及实例分析

16:00 - 18:00

王丹（中国热科院热带作物蛋白质研究中心）

定量蛋白质组学DIGE技术的发展及应用经验总结

2016年12月26日 星期一

地点：海南大学农学院207报告厅

主持人：王贵宾（国家蛋白质科学中心）

09:00 - 11:30

靳翔（中国热科院蛋白质组中心）

常用生物信息学技术在蛋白质组研究中的应用技巧

14:00 - 16:00

柳皋隽（北京大学代谢组研究平台负责人）

代谢组学在植物研究中的应用技巧及实例分析

16:00 - 18:00

杨倩（中国热科院热带作物蛋白质研究中心）

磷酸化蛋白质组学研究策略及技术要点

2016年12月27日 星期二

地点：海南大学农学院207报告厅

主持人：王旭初（中国热科院生物所）

09:00-10:00

蒋欣（中国农业大学/热科院蛋白质组中心）

全面剖析双向电泳及新一代电泳技术在植物蛋白质组研究中的应用展望

10:00-11:00

孙勇（中国热科院热带作物蛋白质研究中心）

多种植物蛋白提取方法的比较及应用技巧

11:00-11:30

王旭初（中国热科院生物所）

培训班总结分析及今后合作发展策略建议

15:00-17:30

王旭初（中国热科院生物所）

参观热带作物蛋白质组研究中心及演示性试验

我们期望将此次大会开成一个纯学术性的高端、精品和经典的大会。我们诚挚邀请您莅临大会，有了您的鼎力支持，大会将会更加精彩！期待大家深入交流，共同进步，共同促进中国植物蛋白质研究领域同行间深度合作，共同提高中国植物蛋白质基础研究水平！



2016年11月10日